

3130 3140 3150 3160 3170 3180  
TTATCCGTACTCCTGATGATGCATGGTTACTCACCCTGCGATCCCCGGAAAAACAGCATTCCAG  
G0258667-1.seq(1>5587) → TTATCCGTACTCCTGATGATGCATGGTTACTCACCCTGCGATCCCCGGAAAAACAGCATTCCAG

3190 3200 3210 3220 3230 3240 3250  
GTATTAGAAGAATATCCTGATTCAGGTGAAAATATTGTTGATGCGCTGGCAGTGTTCCTGCGCCG  
G0258667-1.seq(1>5587) → GTATTAGAAGAATATCCTGATTCAGGTGAAAATATTGTTGATGCGCTGGCAGTGTTCCTGCGCCG

3260 3270 3280 3290 3300 3310  
GTTGCATTTCGATTCCTGTTTGTAAATTGTCCTTTTAAACAGCGATCGCGTATTCGTCCTCGCTCAGG  
G0258667-1.seq(1>5587) → GTTGCATTTCGATTCCTGTTTGTAAATTGTCCTTTTAAACAGCGATCGCGTATTCGTCCTCGCTCAGG

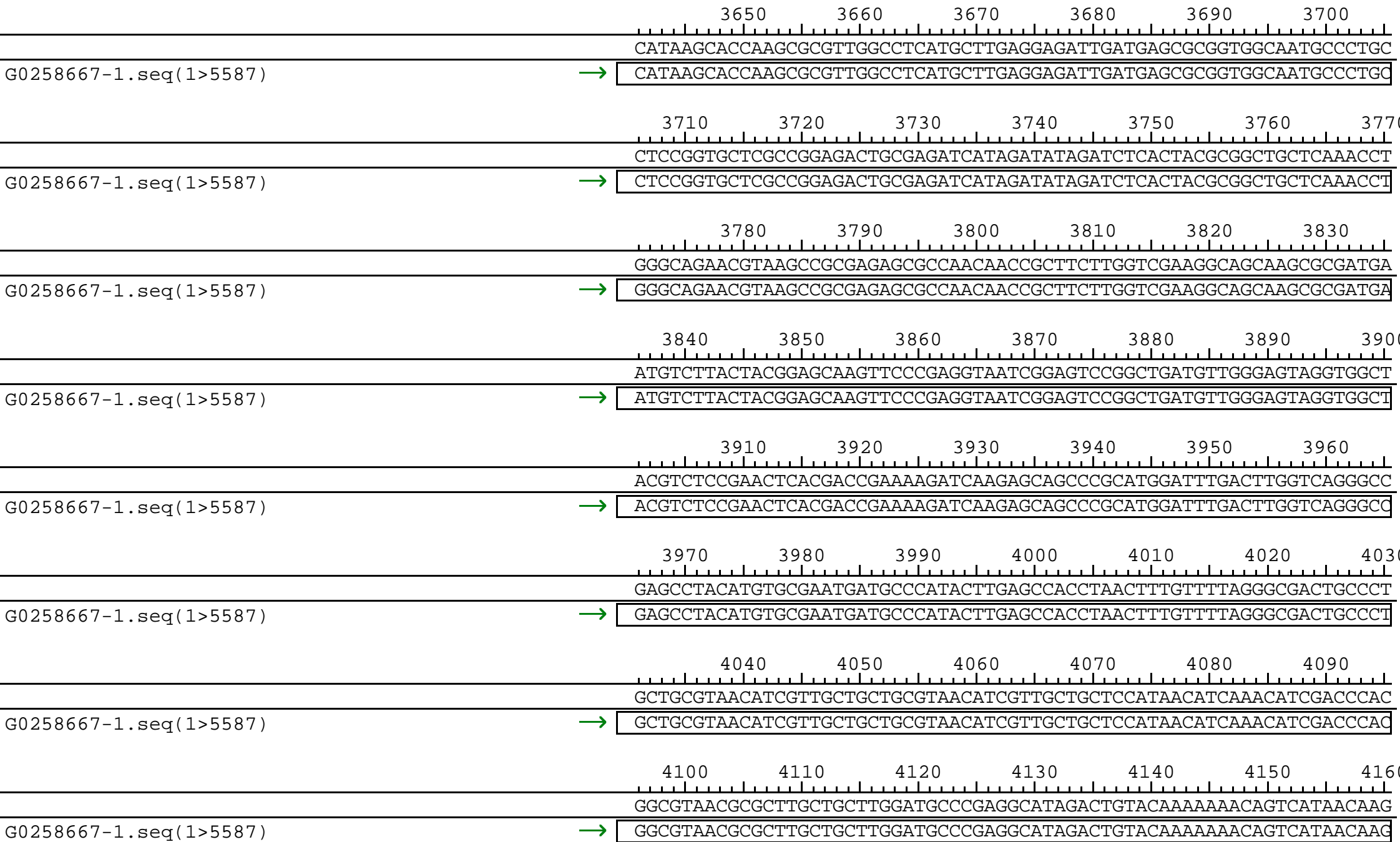
3320 3330 3340 3350 3360 3370 3380  
CGCAATCACGAATGAATAACGGTTTGGTTGATGCGAGTGATTTTGATGACGAGCGTAATGGCTGG  
G0258667-1.seq(1>5587) → CGCAATCACGAATGAATAACGGTTTGGTTGATGCGAGTGATTTTGATGACGAGCGTAATGGCTGG

3390 3400 3410 3420 3430 3440  
CCTGTTGAACAAGTCTGGAAAGAAATGCATAAACTTTTGCCATTCTCACCGGATTCAGTCGTCAC  
G0258667-1.seq(1>5587) → CCTGTTGAACAAGTCTGGAAAGAAATGCATAAACTTTTGCCATTCTCACCGGATTCAGTCGTCAC

3450 3460 3470 3480 3490 3500 3510  
TCATGGTGATTTCTCACTTGATAACCTTATTTTGGACGAGGGGAAATTAGGCCGGGAAGCCGATC  
G0258667-1.seq(1>5587) → TCATGGTGATTTCTCACTTGATAACCTTATTTTGGACGAGGGGAAATTAGGCCGGGAAGCCGATC

3520 3530 3540 3550 3560 3570  
TCGGCTTGAACGAATTGTTAGGTGGCGGTA CTGGGTCGATATCAAAGTGCATCACTTCTTCCCG  
G0258667-1.seq(1>5587) → TCGGCTTGAACGAATTGTTAGGTGGCGGTA CTGGGTCGATATCAAAGTGCATCACTTCTTCCCG

3580 3590 3600 3610 3620 3630 3640  
TATGCCCAACTTTGTATAGAGAGCCACTGCGGGATCGTCACCGTAATCTGCTTGCACGTAGATCA  
G0258667-1.seq(1>5587) → TATGCCCAACTTTGTATAGAGAGCCACTGCGGGATCGTCACCGTAATCTGCTTGCACGTAGATCA





4170 4180 4190 4200 4210 4220  
CCATGAAAACCGCCACTGCGCCGTTACCACCGCTGCGTTCGGTCAAGGTTCTGGACCAGTTGCGT  
G0258667-1.seq(1>5587) → CCATGAAAACCGCCACTGCGCCGTTACCACCGCTGCGTTCGGTCAAGGTTCTGGACCAGTTGCGT

4230 4240 4250 4260 4270 4280 4290  
GAGCGCATAACGCTACTTGCATTACAGTTTACGAACCGAACAGGCTTATGTCAACTGGGTTTCGTGC  
G0258667-1.seq(1>5587) → GAGCGCATAACGCTACTTGCATTACAGTTTACGAACCGAACAGGCTTATGTCAACTGGGTTTCGTGC

4300 4310 4320 4330 4340 4350  
CTTCATCCGTTTCCACGGTGTGCGTCACCCGGCAACCTTGGGCAGCAGCGAAGTCGAGGCATTTCC  
G0258667-1.seq(1>5587) → CTTCATCCGTTTCCACGGTGTGCGTCACCCGGCAACCTTGGGCAGCAGCGAAGTCGAGGCATTTCC

4360 4370 4380 4390 4400 4410 4420  
TGTCCTGGCTGGCGAACGAGCGCAAGGTTTTCGGTCTCCACGCATCGTCAGGCATTGGCGGCCTTG  
G0258667-1.seq(1>5587) → TGTCCTGGCTGGCGAACGAGCGCAAGGTTTTCGGTCTCCACGCATCGTCAGGCATTGGCGGCCTTG

4430 4440 4450 4460 4470 4480  
CTGTTCTTCTACGGCAAGGTGCTGTGCACGGATCTGCCCTGGCTTCAGGAGATCGGAAGACCTCG  
G0258667-1.seq(1>5587) → CTGTTCTTCTACGGCAAGGTGCTGTGCACGGATCTGCCCTGGCTTCAGGAGATCGGAAGACCTCG

4490 4500 4510 4520 4530 4540 4550  
GCCGTCGCGGCGCTTGCCGGTGGTGCTGACCCCGGATGAAGTGGTTCGCATCCTCGGTTTTCTGG  
G0258667-1.seq(1>5587) → GCCGTCGCGGCGCTTGCCGGTGGTGCTGACCCCGGATGAAGTGGTTCGCATCCTCGGTTTTCTGG

4560 4570 4580 4590 4600 4610  
AAGGCGAGCATCGTTTGTTCGCCAGGACTCTAGCTATAGTTCTAGTGGTTGGCTACTAATAGGT  
G0258667-1.seq(1>5587) → AAGGCGAGCATCGTTTGTTCGCCAGGACTCTAGCTATAGTTCTAGTGGTTGGCTACTAATAGGT

4620 4630 4640 4650 4660 4670 4680  
TGTATTGATGTTGGACGAGTCGGAATCGCAGACCGATAACCAGGATCTTGCCATCCTATGGAAC TG  
G0258667-1.seq(1>5587) → TGTATTGATGTTGGACGAGTCGGAATCGCAGACCGATAACCAGGATCTTGCCATCCTATGGAAC TG

