



610 620 630 640 650 660 670
TCAGATCGCCTGGAGACGCCATCCACGCTGTTTTGACCTCCATAGAAGACACCGGGACCGATCCAGCCTCCGCGG
G0184540-2.seq(1>4497) → TCAGATCGCCTGGAGACGCCATCCACGCTGTTTTGACCTCCATAGAAGACACCGGGACCGATCCAGCCTCCGCGG
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → TCAGATCGCCTGGAGACGCCATCCACGCTGTTTTGACCTCCATAGAAGACACCGGGACCGATCCAGCCTCCGCGG

680 690 700 710 720 730 740 750
ATTCTGAATCCCGGCCGGGAACGGTGCATTGGAACGCGGATTCCCCGTGCCAAGAGTGACGTAAGTACCGCCTATA
G0184540-2.seq(1>4497) → ATTCTGAATCCCGGCCGGGAACGGTGCATTGGAACGCGGATTCCCCGTGCCAAGAGTGACGTAAGTACCGCCTATA
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → ATTCTGAATCCCGGCCGGGAACGGTGCATTGGAACGCGGATTCCCCGTGCCAAGAGTGACGTAAGTACCGCCTATA

760 770 780 790 800 810 820
GAGTCTATAGGCCACAAAAAATGCTTTCTTCTTTTAATATACTTTTTTGTATTATCTTATTTCTAATACTTTCC
G0184540-2.seq(1>4497) → GAGTCTATAGGCCACAAAAAATGCTTTCTTCTTTTAATATACTTTTTTGTATTATCTTATTTCTAATACTTTCC
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → GAGTCTATAGGCCACAAAAAATGCTTTCTTCTTTTAATATACTTTTTTGTATTATCTTATTTCTAATACTTTCC

830 840 850 860 870 880 890 900
TAATCTCTTTCTTTCAGGGCAATAATGATACAATGTATCATGCCTCTTTGCACCATTCTAAAGAATAACAGTGAT
G0184540-2.seq(1>4497) → TAATCTCTTTCTTTCAGGGCAATAATGATACAATGTATCATGCCTCTTTGCACCATTCTAAAGAATAACAGTGAT
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → TAATCTCTTTCTTTCAGGGCAATAATGATACAATGTATCATGCCTCTTTGCACCATTCTAAAGAATAACAGTGAT

910 920 930 940 950 960 970
AATTTCTGGGTTAAGGCAATAGCAATATTTCTGCATATAAATATTTCTGCATATAAATTGTAAGTATGTAAGAG
G0184540-2.seq(1>4497) → AATTTCTGGGTTAAGGCAATAGCAATATTTCTGCATATAAATATTTCTGCATATAAATTGTAAGTATGTAAGAG
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → AATTTCTGGGTTAAGGCAATAGCAATATTTCTGCATATAAATATTTCTGCATATAAATTGTAAGTATGTAAGAG

980 990 1000 1010 1020 1030 1040 1050
GTTTCATATTGCTAATAGCAGCTACAATCCAGCTACCATTCTGCTTTTATTTTATGGTTGGGATAAAGGCTGGATT
G0184540-2.seq(1>4497) → GTTTCATATTGCTAATAGCAGCTACAATCCAGCTACCATTCTGCTTTTATTTTATGGTTGGGATAAAGGCTGGATT
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → GTTTCATATTGCTAATAGCAGCTACAATCCAGCTACCATTCTGCTTTTATTTTATGGTTGGGATAAAGGCTGGATT

1060 1070 1080 1090 1100 1110 1120
ATTCTGAGTCCAAGCTAGGCCCTTTGCTAATCATGTTTCATACCTCTTATCTTCCCTCCCACAGCTCCTGGGCAAC
G0184540-2.seq(1>4497) → ATTCTGAGTCCAAGCTAGGCCCTTTGCTAATCATGTTTCATACCTCTTATCTTCCCTCCCACAGCTCCTGGGCAAC
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → ATTCTGAGTCCAAGCTAGGCCCTTTGCTAATCATGTTTCATACCTCTTATCTTCCCTCCCACAGCTCCTGGGCAAC

1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200
GTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCCATCACTTTGGCAAAGAATTGGGATTTCGAACATCGATTGAATTCCCCGGGGATC
G0184540-2.seq(1>4497) → GTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCCATCACTTTGGCAAAGAATTGGGATTTCGAACATCGATTGAATTCCCCGGGGATC
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → GTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCCATCACTTTGGCAAAGAATTGGGATTTCGAACATCGATTGAATTCCCCGGGGATC

1210 1220 1230 1240 1250 1260 1270
CTCTAGAGTCGACCTGCAGAAGCTTGCCTCGAGCAGCGCTGCTCGAGAGATCTACGGGTGGCATCCCTGTGACCC
G0184540-2.seq(1>4497) → CTCTAGAGTCGACCTGCAGAAGCTTGCCTCGAGCAGCGCTGCTCGAGAGATCTACGGGTGGCATCCCTGTGACCC
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → CTCTAGAGTCGACCTGCAGAAGCTTGCCTCGAGCAGCGCTGCTCGAGAGATCTACGGGTGGCATCCCTGTGACCC

1280 1290 1300 1310 1320 1330 1340 1350
CTCCCCAGTGCCTCTCCTGGCCCTGGAAGTTGCCACTCCAGTGCCCACCAGCCTTGTCTAATAAAAATTAAGTTG
G0184540-2.seq(1>4497) → CTCCCCAGTGCCTCTCCTGGCCCTGGAAGTTGCCACTCCAGTGCCCACCAGCCTTGTCTAATAAAAATTAAGTTG
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → CTCCCCAGTGCCTCTCCTGGCCCTGGAAGTTGCCACTCCAGTGCCCACCAGCCTTGTCTAATAAAAATTAAGTTG

1360 1370 1380 1390 1400 1410 1420
CATCATTTTGTCTGACTAGGTGTCCTTCTATAATATTATGGGGTGGAGGGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCAAGT
G0184540-2.seq(1>4497) → CATCATTTTGTCTGACTAGGTGTCCTTCTATAATATTATGGGGTGGAGGGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCAAGT
F05-E04902-G0184540-2_CMV-F.ab1(1>790) → CATCATTTTGTCTGACTAGGTGTCCTTCTATAATAT

1430 1440 1450 1460 1470 1480 1490 1500
TGGGAAGACAACCTGTAGGGCCTGCGGGGTCTATTGGGAACCAAGCTGGAGTGCAGTGGCACAATCTTGGCTCAC
G0184540-2.seq(1>4497) → TGGGAAGACAACCTGTAGGGCCTGCGGGGTCTATTGGGAACCAAGCTGGAGTGCAGTGGCACAATCTTGGCTCAC

1510 1520 1530 1540 1550 1560 1570
TGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTTGTTGGGATTCCAGGCATGCAT
G0184540-2.seq(1>4497) → TGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTTGTTGGGATTCCAGGCATGCAT

1580 1590 1600 1610 1620 1630 1640 1650
GACCAGGCTCAGCTAATTTTTGTTTTTTTGGTAGAGACGGGGTTTCACCATATTGGCCAGGCTGGTCTCCAACCTC
G0184540-2.seq(1>4497) → GACCAGGCTCAGCTAATTTTTGTTTTTTTGGTAGAGACGGGGTTTCACCATATTGGCCAGGCTGGTCTCCAACCTC









